

# USER MEETING GENOMICA

**27 MARZO - HOTEL NH SANVY  
MADRID**

The Measure of Confidence

- 09:00 Registro
- 9:30 Bienvenida e Introducción  
Miguel Viribay, Director de Ventas LSG para España y Portugal, Agilent Technologies
- 9:45 Arrays de CGH personalizados: Aplicaciones en Genética Médica  
María Palomares Bralo, PhD, Instituto de Genética Médica y Molecular-INGEMM, Hospital Universitario La Paz-IdiPAZ
- 10:15 Secuenciación Masiva en Neoplasias Hematológicas  
Margarita Sánchez-Beato, Fundación para la Investigación Biomédica, Hospital Universitario Puerta de Hierro
- 10.45 Agilent como plataforma de validación a tus aplicaciones en Next Generation Sequence  
Hugo Mingo, Especialista de Producto, Agilent Technologies
- 11:05 Café
- 11:30 Análisis de la expresión de miRNAs como herramienta Diagnóstica en Cáncer  
Angelo Gámez Pozo, Instituto de Genética Médica y Molecular-INGEMM, Hospital Universitario L a Paz-IdiPAZ
- 12:00 From Genotype to Phenotype: The change of paradigm with array - CGH in a Diagnostic set up  
Melo JB and Carreira IM, Laboratório de Citogenética e Genómica, Faculdade de Medicina da Universidade de Coimbra, Portugal
- 12:30 Targeted resequencing: estrategias de captura y preparacion de librerias  
Beatriz Sobrino, Instituto de Investigaciones Sanitarias de Santiago de Compostela. Fundacion Publica Galega de Medicina Xenómica
- 13:00 Nuevos desarrollos en Next Generation Sequencing Workflow  
Didier Goidin y Winfried van Eyndhoven, Especialistas de Producto, Agilent Technologies
- 13:30 Sesión de preguntas. Cierre
- 13:45 Buffet

