

식별, 정량, 간소화. 전체 그림을 더욱 선명하게

Agilent 7250 GC/Q-TOF 시스템



더 많은 것을 달성할 준비가 되었습니까?

시료에 어느 수준으로 무엇이 있는지 발견하는 것은 귀사가 신뢰하는 결론과 해결책을 마련하는데 도움이 됩니다.

포괄적인 Agilent MassHunter 소프트웨어와 함께 제공되는 올인원 Agilent 7250 GC/Q-TOF 시스템은 가장 까다로운 GC/MS 응용 분야의 경우에도 적시에 확실한 해답을 제공합니다. 가장 까다로운 GC/MS 식별, 정량 및 탐구 과제를 위한 최고의 기기입니다:

- 복잡한 대사체학 연구 수행
- 까다로운 매트릭스 내 농약 스크리닝
- 다양한 매트릭스에서 화합물 식별
- 화학 공급 원료의 오염물질 농도 시험

필요한 실제 성능을 위해 설계되고, 강력한 실험실을 위해 구축된 7250 GC/Q-TOF 시스템은 귀사가 원하는 일관된 우수한 결과를 제공합니다.



일반 스크리닝 워크플로와 일생일대의 발견을 위한 최고의 확신

7250 GC/Q-TOF는 다음과 같은 추가 기능을 제공합니다.

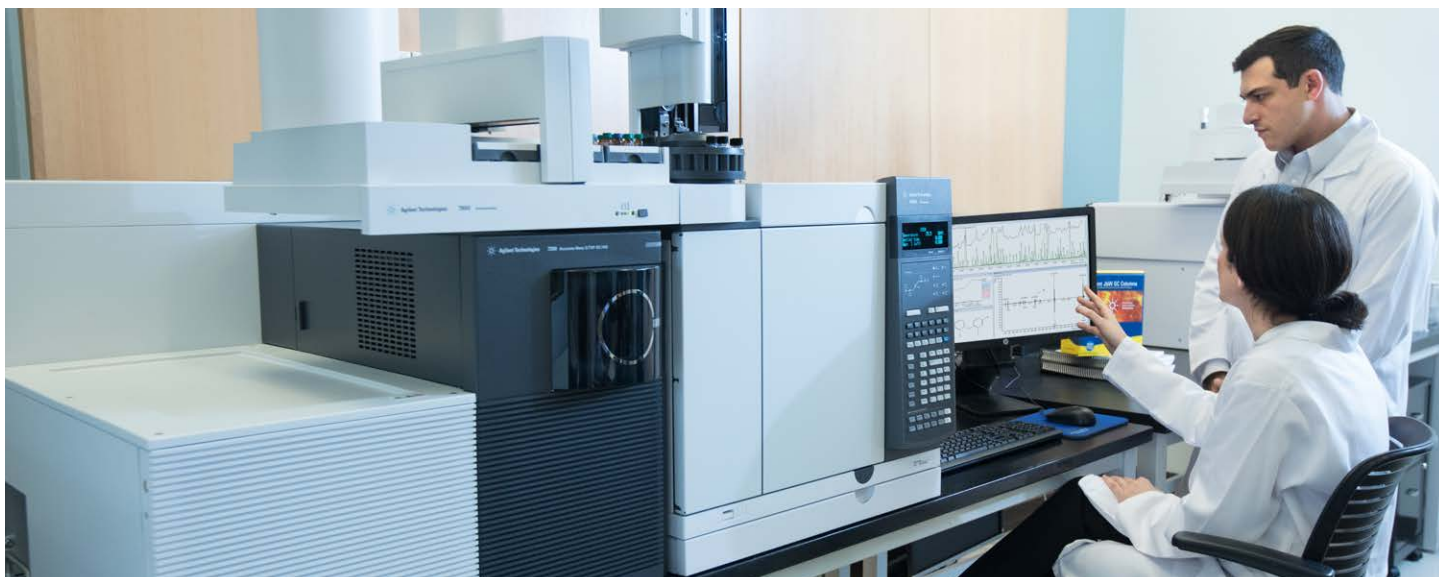
- 고감도 검출
- 정확한 정량
- 탐구 능력
- 단순한 스펙트럼
- 재현 가능한 데이터
- 측정 범위

따라서 다음과 같은 근심거리를 줄입니다.

- 미래 규제에 대한 우려
- 불확실한 결과
- 미지성분 정성분석
- 데이터 해석 시간
- 불확실성의 반복
- 위음성 및 위양성

진화하는 분석 과제는 새로운 분석법과 새로운 접근법을 요구합니다

40년 이상, 애질런트는 혁신으로 다양한 연구소에서 더욱 상세한 분석 요구를 충족할 수 있도록 조력해 왔습니다. 7250은 애질런트의 가장 진보된 GC/Q-TOF로, 뛰어난 성능과 실험실에서의 견고성을 제공하도록 설계되었습니다.



더 확실한 식별을 원하십니까?

*“애질런트 기기는 신뢰성,
정확성과 사용 편의성의 세
가지 이유로 우리 실험실에서
애용되고 있습니다.”*

– Mike Thurman 박사

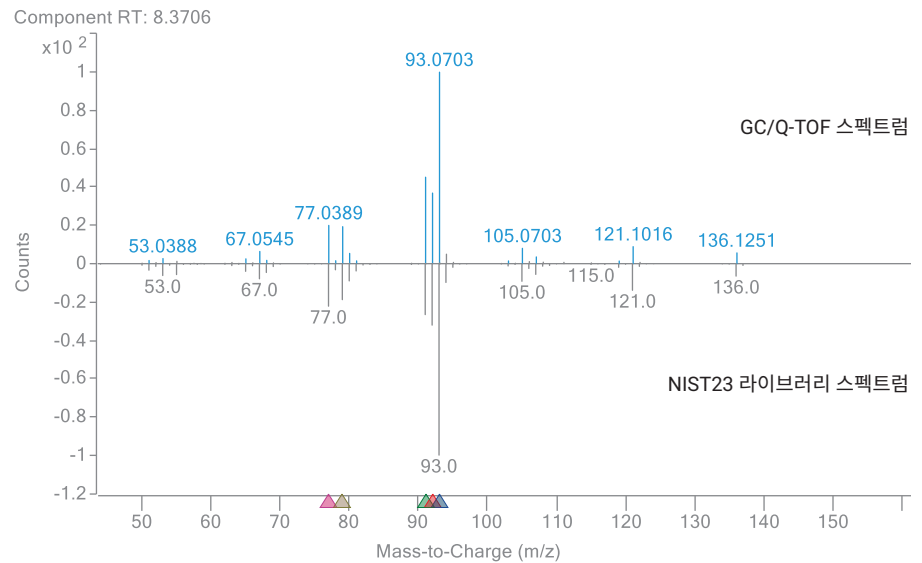
콜로라도대학교 환경 질량분석 연구센터

그림의 전체를 보지 못한다면 연구, 개발 및 품질 관리에 심각한 영향을 미칠 수 있습니다. Agilent 7250 GC/Q-TOF 시스템과 MassHunter 소프트웨어의 분석력은 독보적인 화합물 식별 능력을 제공합니다.

- **화합물 확인.** 왜곡되지 않은 라이브러리 품질 스펙트럼으로 상용 라이브러리에 대한 확실한 화합물 식별이 가능합니다.
- **화합식 확인.** 동위원소 비율 측정 정확도의 분자식 지정에 높은 확실성을 줍니다.
- **극미량 분석물질 검출.** 많은 동시 용리에도 광범위한 스펙트럼 내 측정 범위를 보장합니다.
- **구조 해석.** 고분해능과 accurate mass 생성 이온 스펙트럼을 이용한 MS/MS 측정은 구조 정보를 제공하고 선택성을 높이며 매트릭스 간섭을 제거할 수 있습니다.

스펙트럼 충실도와 정확한 질량으로 라이브러리 일치 항목에 대한 확신 부여

상용 라이브러리에 대한 스펙트럼 검색으로 화합물을 쉽게 식별할 수 있습니다. 7250 GC/Q-TOF 시스템은 수십만 종의 화합물 라이브러리 스펙트럼의 품질을 지원하며, 이중 대부분은 애질런트 사중극자 GC/MS 시스템에 의해 생성되었습니다. Accurate mass 정보와 더불어 라이브러리에 충실한 EI 조각화 패턴을 제공하는 7250 GC/Q-TOF 시스템은 EI 라이브러리를 사용한 화합물 식별에 이상적인 플랫폼입니다.



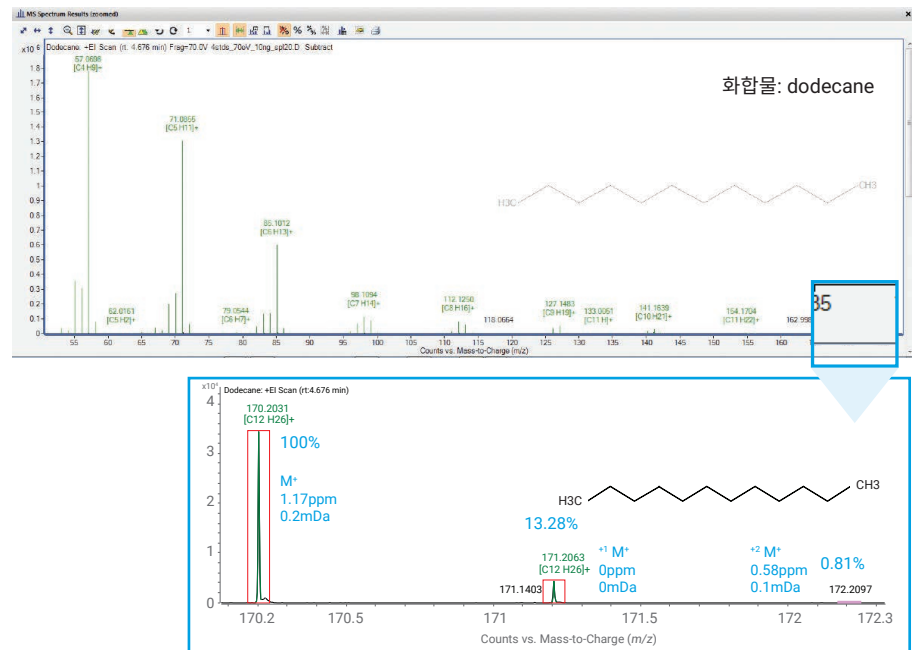
토양 내 α -Pinene. 라이브러리 매치 스코어: 95.8

Components							
Component RT	Compound Name	Match Factor	Best Hit	Formula	Component RI	Library RI	Delta RI
8.3706	(1R)-2,6,6-Trimethylbicyclo[3.1.1]hept-2-ene	95.8	<input checked="" type="checkbox"/>	C10H16	932	932	0

동위원소 비율 측정 정확도

확실한 화합물 식별은 우수한 질량 정확도 이상을 요구합니다. 또한, 동위원소 패턴 매칭과 같은 독립적인 화합물의 특성도 고려해야 합니다.

MassHunter 정성 분석으로 동위원소 비율 측정 정확도를 쉽게 그려낼 수 있습니다. 이를 통해 accurate mass 측정을 보완하는 특성을 기반으로 화합물을 식별할 수 있습니다. 낮은 존재비의 M+ 피크 클러스터를 나타내는 이 dodecane 스펙트럼에서 볼 수 있듯이, Agilent 7250 GC/Q-TOF 시스템은 극미량 동위원소에서든 뛰어난 동위원소 비율 측정 정확도를 나타냅니다.

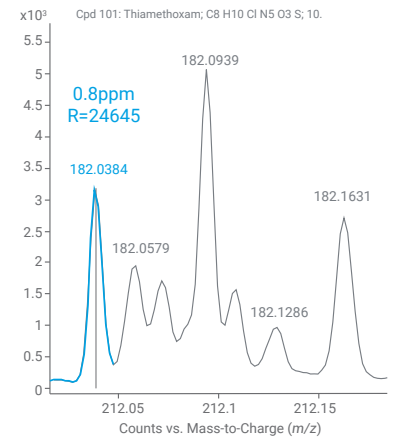
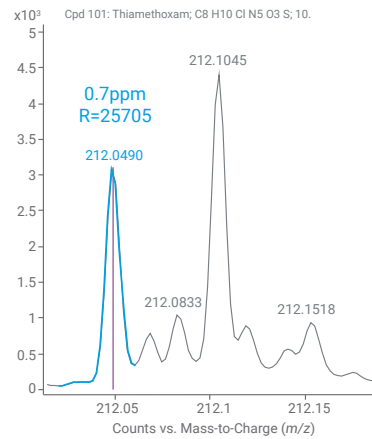


농약을 높은 분해능과 질량 정확도로 분석

분석물질을 간섭 물질로부터 분리하려면 높은 분해능이 필요합니다. 그러나 미량 수준 성분에 대한 복잡한 매트릭스를 분석하는 경우에는 넓은 측정 범위와 높은 감도와 같은 다른 성능 특성도 유지해야 합니다.

이와 같은 시나리오의 예시로는 매우 큰 백그라운드 수준과 복잡한 매트릭스를 가진 아보카도의 농약, Thiamethoxam 5ppb 분석이 있습니다. 이러한 조건에서도 특징적인 질량 피크는 EU SANTE/11945/2015 지침을 준수하는 질량 정확도로 백그라운드에서 분리됩니다.

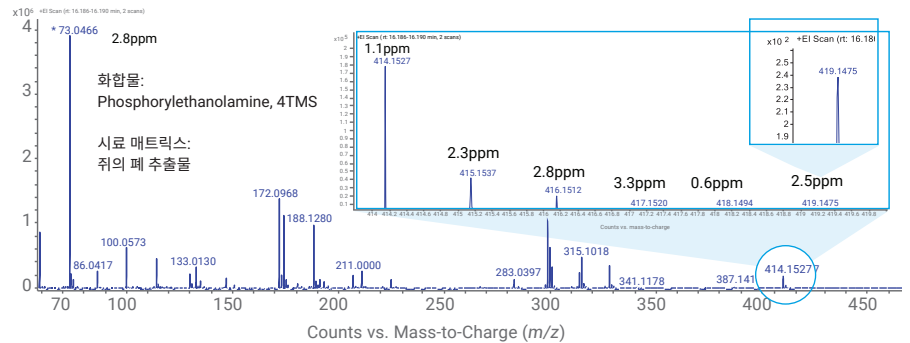
또한, 이 수준의 스펙트럼 성능을 수집 속도 또는 질량 범위와 관계없이 달성하였습니다.



복잡한 매트릭스에서 넓은 측정 범위

넓은 스펙트럼 내 측정 범위로 높은 백그라운드 또는 기타 동시 용리물질이 존재하는 경우에서도 극미량 분석물질을 확실하게 검출할 수 있습니다.

7250은 일반적으로 매우 무거운 매트릭스에서도 10^4 의 스펙트럼 내 측정 범위를 제공합니다. 이 사례는 복잡한 생물학적 시료인 쥐의 폐 추출물에서 Phosphorylethanolamine(4TMS)에 대한 16,000+:1의 범위를 나타냅니다.

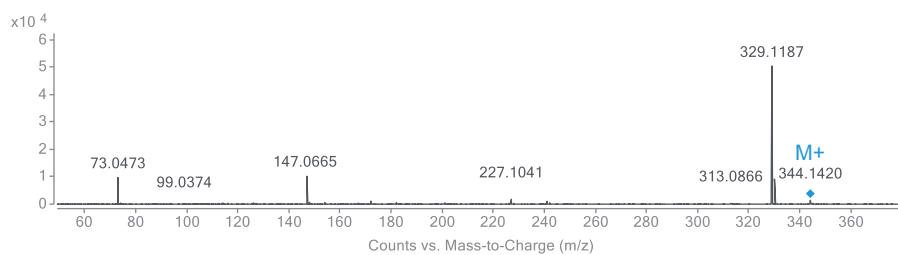


애질런트 가치 약속

애질런트는 구입일로부터 최소 10년간 기기 사용을 보증하며 또는, 또는 우리는 시스템의 잔존 가치를 업그레이드된 모델로 판매할 수 있습니다.

화학 구조 해석과 보다 자세한 정보 확인

7250 GC/Q-TOF는 MS/MS 기능을 갖춘 유일한 accurate mass TOF 시스템입니다. 추정 분자 이온으로 생성한 MS/MS 생성 이온 스펙트럼을 이용하는, Molecular Structure Correlator 소프트웨어로 조각 데이터에 기초하여 가능한 화합물 구조를 제안할 수 있습니다.



48 structures found for rt=14.408:ce20

Sort by: # Reference: Show structures for: C13H28N2O3S3

Structure #1 -- elucidated: 75.0% ions, 98.2% Weight

Rank	Mass	Intensity	Weight(%)	No. of candid.	Best score
1	329.1187	50455.72	78.7	2	90.7
2	147.0665	10204.34	3.2	4	42.2
3	73.0473	9762.28	0.7	1	98.6
4	330.1197	9215.45	14.5	2	55.4
5	227.1041	1790.00	1.3	0	0.0
6	172.0981	1129.09	0.5	0	0.0
7	241.0467	1073.97	0.9	2	95.0
8	148.0672	707.77	0.2	1	66.9

Penalty=1.0 dM=5.3ppm F.D.S.=91.0 C12H26N2O3S3-H Score=90.7

Penalty=9.5 dM=5.3ppm F.D.S.=91.0 C12H30N2O3S3-5H Score=65.1

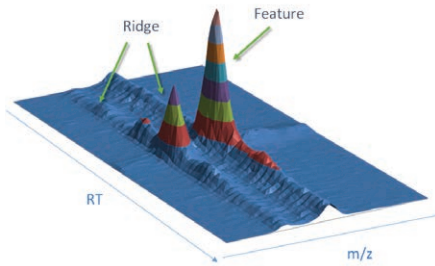
Chemical structures shown include:

- C13H28N2O3S3: 461809
- C13H28N2O3S3: 481642
- C13H28N2O3S3: 481658

알려지지 않은 ID 또는 구조를 가진 화합물을 조사하여 가능성의 범위를 좁힐 수 있습니다.



더 우수한 정량 및 정성 정보를 원하십니까?



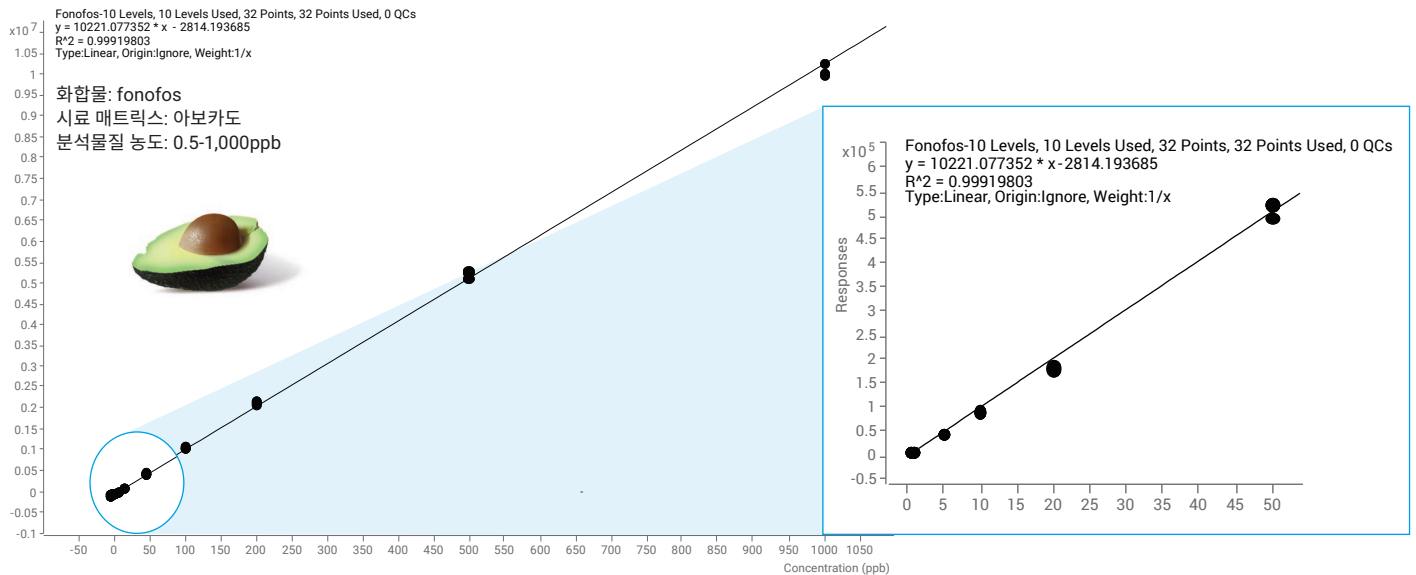
화학적 특성 검출을 위한 Agilent MassHunter SureMass 알고리즘은 고분해능 MS 프로파일 데이터를 위해 특별히 고안되었습니다.

표적 정량과 비표적 수집의 결합은 강력합니다. Agilent 7250 GC/Q-TOF 시스템은 높은 질량 분해능과 넓은 측정 범위를 동시에 갖춰 탁월한 정량 정확도를 제공합니다. 또한, 첨단 전자장치는 복잡한 매트릭스 내 미량 분석물질에 대해서도 광범위한 선형성과 일관된 반응을 가능하게 합니다.

고분해능 accurate mass 데이터에 최적화된 독특한 신호 처리 알고리즘인 SureMass는 선형 측정 범위를 더욱 넓힙니다. 또한 비표적 분석에 대한 크로마토그래피 deconvolution의 속도와 감도를 높이는 동시에 우수한 질량 정확도를 얻는 데 도움을 줍니다.

복잡한 매트릭스에서 정확한 정량

광범위한 선형 측정 범위는 다양한 농도에서 정량 정확도를 제공합니다. 이 아보카도 매트릭스에서 0.5-1,000ppb의 fonofos에 대한 검량선에서 보듯이, 복잡한 시료 내 낮은 농도에서도 반응 계수가 유지됩니다.



화합물 식별력을 높여주는 대체 소프트 이온화 기술

세계 유일의 고분해능 GC/Q-TOF인 7250을 사용하면 기존의 실용적이지 않았거나 불가능했던 워크플로를 구현할 수 있습니다. 이 시스템은 전자 이온화(EI)의 범용성을 유지하면서, 특별한 기술에 의존하지 않고 단순한 스펙트럼을 생성할 수 있습니다.

7250 저에너지 가능 EI 이온화원은 Agilent 5977 GC/MSD 및 7010 GC/TQ 시스템에서 입증된 고효율 이온화원(HES)을 기반으로 합니다. 이는 저에너지 EI 작동에 최적화되었지만 여전히 기존 70eV 이온화에서 작동합니다. 또한 HES 설계 수정으로 저에너지 EI의 분석 감도가 증폭되어 GC/MS 소프트 이온화의 패러다임을 바꿔놓습니다.

PCI와 NCI를 모두 지원하는 상호 교환 가능한 화학 이온화 이온화원과 결합된 7250 GC/Q-TOF 시스템용 소프트 이온화 옵션은 가장 어려운 분석도 단순화합니다.

- **확실한 식별.** 후속 단계의 구조 해석을 위해 분자 이온 정보를 확보하세요.
- **분석 역량 확장.** 기타 소프트 이온화 기법에서 발생하는 큰 분석 감도 손실을 방지하면서 다양한 분석물질을 이온화합니다.
- **효율성 향상.** 세계적인 GC/MS 리더의 검증된 이온화원 기술 성능을 활용하세요.

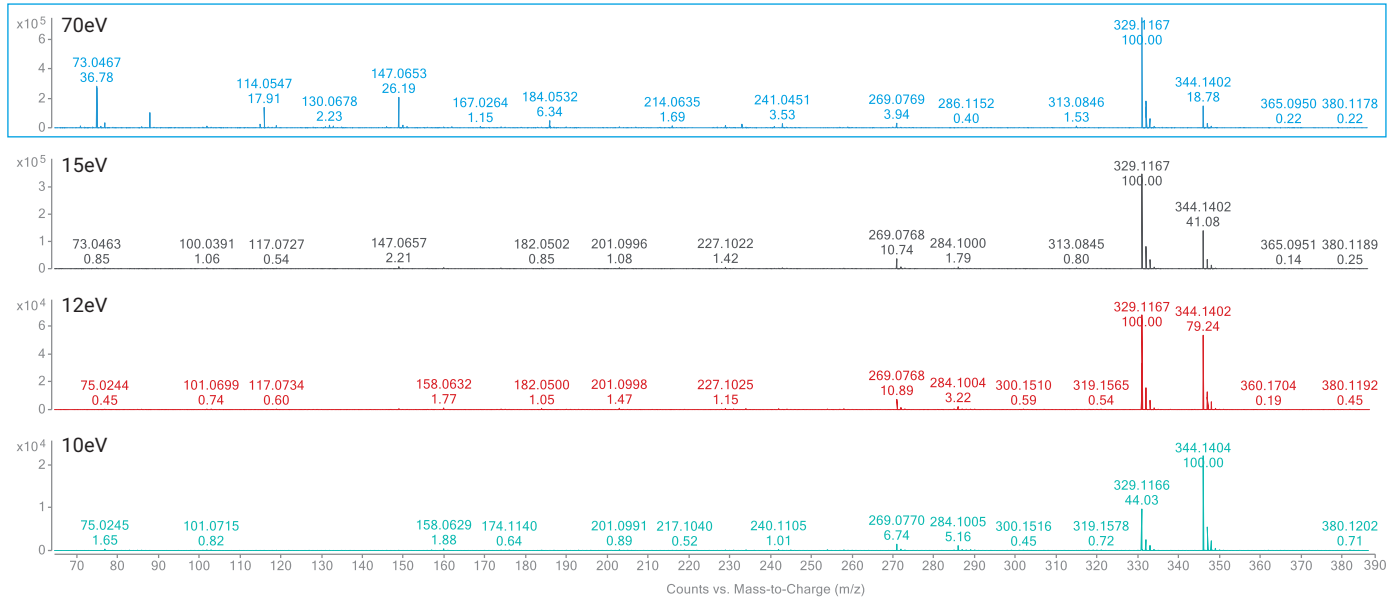
7250 저에너지 EI 이온화원



복잡한 매트릭스에서 대사산물을 식별할 때의 어려움 극복

이온화원 이온화 에너지를 낮추면 분자 이온에 대한 스펙트럼 기술기가 발생합니다. 여기서, 낮은 전자 에너지는 이 알려지지 않은 화합물의 분자 이온에 대한 존재비가 상대적으로 높음을 의미합니다.

낮은 전자 에너지를 이용한 분자 이온의 식별



현실 세계의 문제를 해결하여 소비자 보호와 신용 유지

식품 생산자와 소비자는 불량 식품 및 허위 표시로 인한 위험에 직면해 있습니다. 또한, 국제 무역, 엄격한 규제 및 대중 인식의 증가는 보다 자주, 더 상세한 식품 테스트의 필요성을 촉진하고 있습니다.

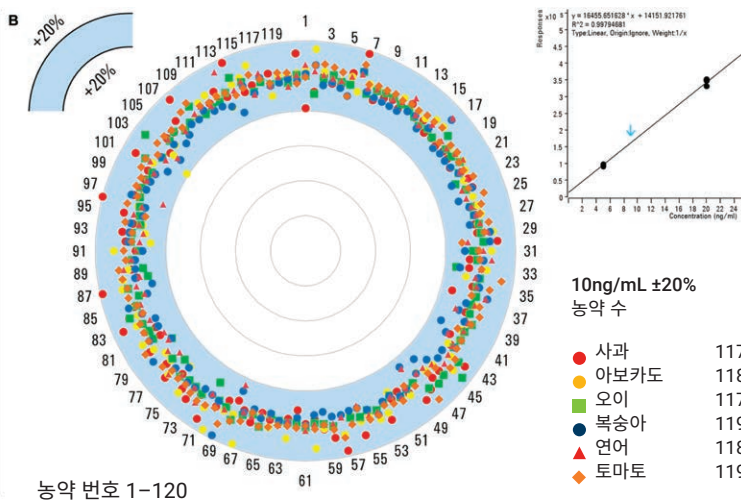
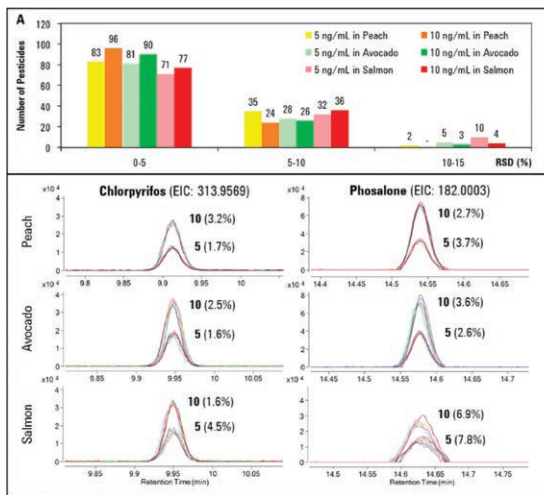
7250 GC/Q-TOF 시스템은 최적화된 단일 플랫폼으로 이러한 과제를 해결하는 데 도움을 줍니다. 식품 테스트에서 일반적인 GC/Q-TOF 사용 사례는 다음과 같습니다.

- Accurate mass 농약 PCDL을 기반으로 한 표적 정량으로 추정물질 스크리닝
- SureMass deconvolution 및 NIST와 같은 광범위한 단위 질량 티 라이브러리를 사용한 비표적 스크리닝
- 사기 감지를 위한 식품 분류



매트릭스에 의한 어려움

비표적 수집 및 accurate mass 스펙트럼 라이브러리를 통해 식품 매트릭스 내 농약을 포괄적으로 검사할 수 있습니다.



아보카도와 연어를 포함한 세 개의 서로 다른 식품 매트릭스에 농약 120종을 스파이크하였습니다. 5ng/mL와 10ng/mL 스파이크 농도에 대한 재현성(RSD %) 값은 우수한 분석 성능을 나타냅니다. 검출된 특성 이온 복제의 두 가지 예도 나타내었습니다.

10ng/mL 정량 정확도. 다양한 복잡성을 가진 6가지 식품 매트릭스를 대상으로 잔류허용기준 (MRL)을 빠르게 비교하여 나타내었습니다. 아보카도, 연어와 같은 복잡한 매트릭스에서도 정량 정확도는 시험한 농약/식품 쌍의 97% 이상에서 SANTE/11813/2017 가이드라인을 충족하였습니다.

GC/Q-TOF 추정물질 스크리닝 워크플로를 사용하여 위양성을 간단하게 식별

단일 분석법으로 수백 종의 표적 및 추정 화합물에 대한 대규모 시료 배치를 쉽게 평가할 수 있습니다.

MassHunter 소프트웨어는 표적 화합물에 대한 동시 정량 측정을 제공합니다. 또한, 검량 표준 없이 추정 화합물에 대한 고분해능 스펙트럼 라이브러리를 스크리닝할 수 있습니다.

하나의 데이터 분석 도구를 사용하여 표적 및 추정물질을 동시에 스크리닝



“GC/MS Q-TOF 시스템으로 양성 결과를 확인할 수 있는 동시에, 위양성 결과를 피할 수 있었습니다.”

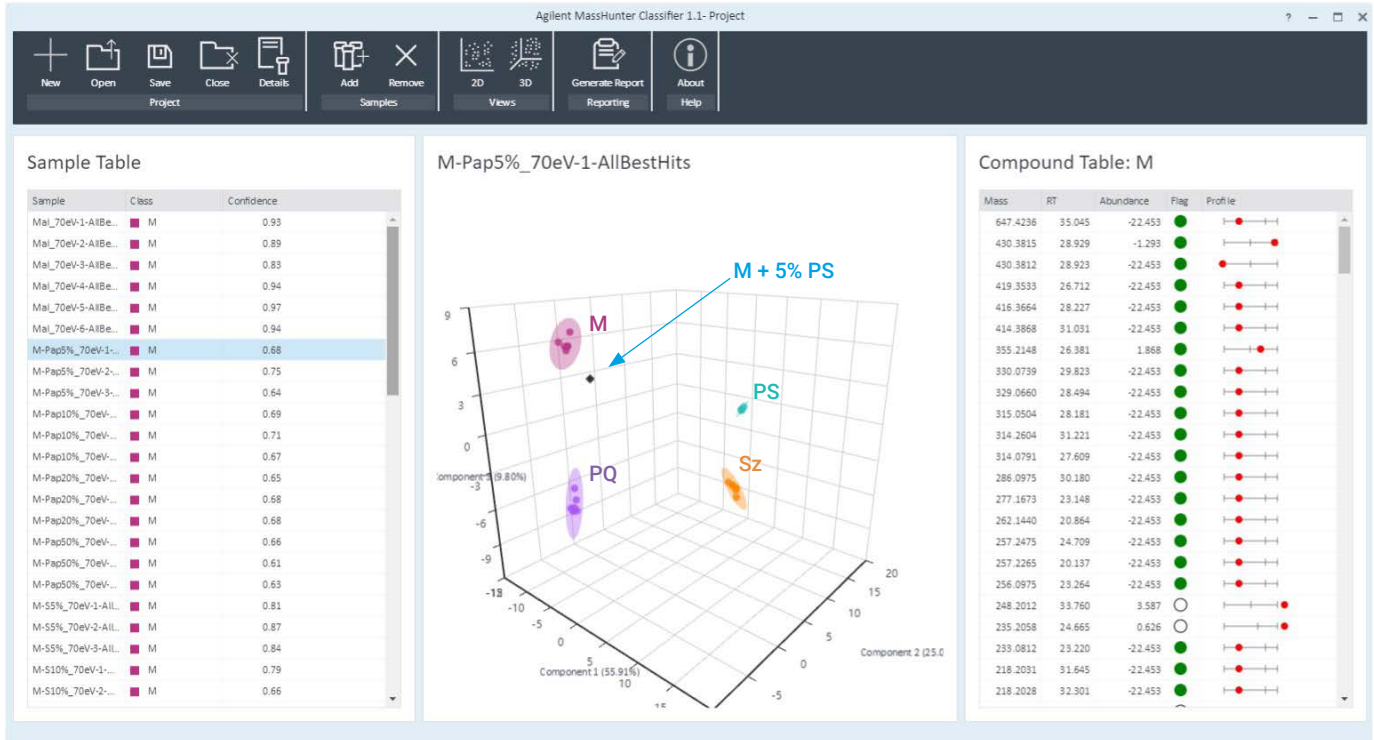
— Peter Furst 박사
화학 및 수의학 분석 연구소
Münsterland-Emscher-Lippe,
중앙 분석 서비스 부서

비교할 표준 실행이 없는 경우에도 실제 일치와 허위 식별을 구분할 수 있는 7250 GC/Q-TOF 시스템은 고분해능과 accurate mass 성능을 발휘합니다.

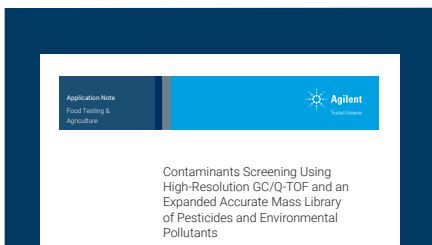
식품 진위성 확인 및 사기 감지

식품 사기는 빠르게 확산 및 진화하고 있습니다. 비표적 접근 방식과 결합된 TOF(Time-of-flight)는 식품 사기와 변조를 감지하는 방법으로 빠르게 부상하고 있습니다. Agilent Mass Profiler Professional(MPP) 소프트웨어를 사용하여 분류 모델을 만들고 Agilent MassHunter Classifier 소프트웨어를 사용하여 사기를 감지하여 고분해능 GC/Q-TOF를 이용한 식품 특성화를 간소화할 수 있습니다.

MassHunter Classifier 소프트웨어 시각화 도구에는 화합물 목록과 3차원 PCA 플롯이 포함되어 있습니다.



고분해능 accurate mass GC/Q-TOF 데이터와 차등 분석 소프트웨어를 사용하면 분류 및 식품 사기 감지를 위한 일상적인 식품 시료 검사가 가능합니다.



Q-TOF가 어떻게 위양성을 방지하는지 알고 싶으십니까?

고분해능 GC/Q-TOF와 accurate mass 라이브러리를 사용하여 딸기 추출물에서 농약과 환경 오염물질을 스크리닝하고 정량하는 간소화된 워크플로에 대해 알아보세요. [응용 자료 다운로드](#)

알려진 오염물질을 선별하고 미지 물질 식별

매일, 인류가 환경에 미치는 영향 그리고 환경이 우리에게 미치는 영향에 대한 새로운 의문이 제기됩니다. Agilent 7250 GC/Q-TOF 시스템의 혁신적 기술은 쉽고 효율적으로 의미 있는 답변을 제공하도록 설계되었습니다.

알려진 오염물질과 미지의 오염물질을 특성화하기 위해 accurate mass 고분해능 MS(HRMS) 기술을 사용하는 방법이 점차 인기를 얻고 있습니다.

다음과 같은 포괄적인 워크플로에 7250을 사용하여 높은 감도와 확장된 분석 범위를 실현할 수 있습니다.

- 표적 정량
- 추정물질 스크리닝
- 오염물질에 대한 비표적 스크리닝

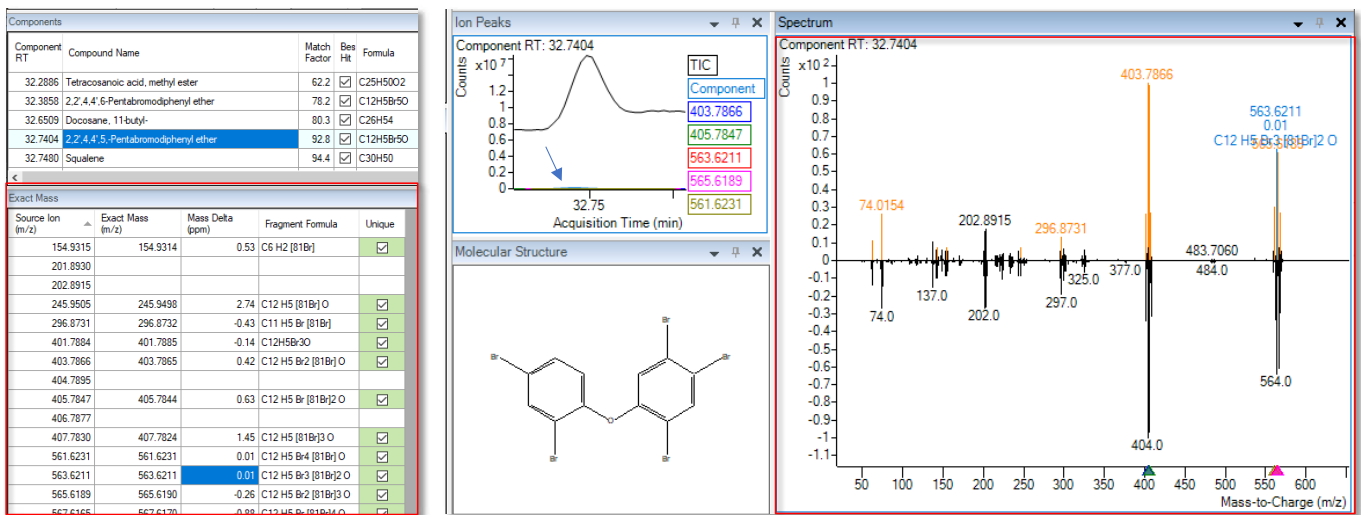
또한, 후향적 처리를 통해 한 번 측정한 후 전체 스펙트럼 데이터로 데이터를 반복적으로 처리하여 향후 나타나는 표적을 조사할 수 있습니다.



확실한 식별

SureMass 신호 처리 및 ExactMass 도구를 사용하는 MassHunter Unknowns Analysis 소프트웨어는 기존 deconvolution 기술을 뛰어넘는 효율성과 감도를 제공합니다. 매우 큰 백그라운드 신호에서도 미량 성분을 확실하게 추출하고 식별합니다.

ExactMass 기능은 이온에 조각 화학식을 주석으로 달아 Quadrupole MS 시스템의 명목 질량 스펙트럼이 있는 MS 라이브러리를 사용하는 경우에도 자신 있게 화합물을 식별할 수 있게 해줍니다.



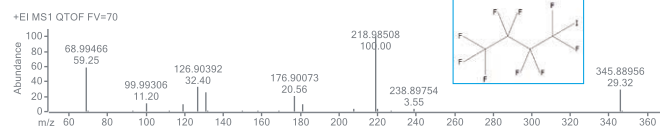
ExactMass 도구(빨간색 사각형)는 accurate mass를 기반으로 단위 질량 라이브러리 일치에 대한 신뢰도를 더욱 높입니다. m/z가 라이브러리 일치 화학식과 일치할 때 미리 플롯에서 대표 화합물 이온이 강조 표시됩니다. 파란색 화살표는 토양 매트릭스의 deconvolution된 성분을 나타냅니다.

환경 시료의 PFAS 분석을 위한 accurate mass 라이브러리

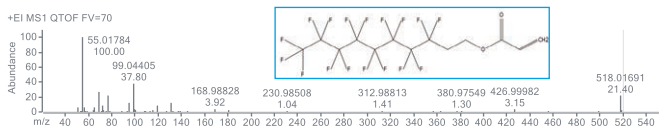
환경 응용 분야에서 accurate mass 라이브러리의 개발은 모니터링 대상 화합물의 범위를 확장하고 표적/추정물질을 확실하게 감지하기 위해 매우 중요합니다. 또한 비표적 스크리닝에 비해 더 높은 감도와 유연성을 제공하는 추정물질 스크리닝 접근 방식을 사용할 수 있는 기회도 제공합니다.

PFAS PCDL의 다양한 PFAS 화합물 부류를 보여주는 예

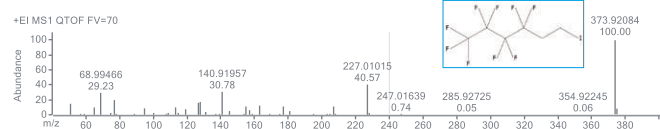
Nonafluoro-1-iodobutane (PFBI)



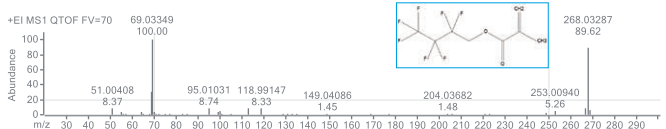
8:2 Fluorotelomer acrylate (8:2 FTAC)



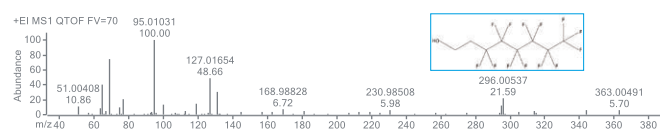
1,1,1,2,2,3,3,4,4-Nonafluoro-6-iodohexane (6:2 FTI)



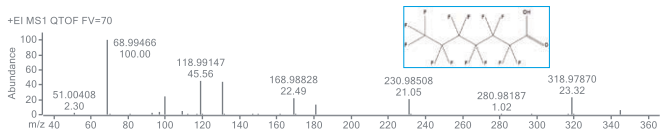
2,2,3,3,4,4,4-Heptafluorobutyl methacrylate (3:1 FTMAC)



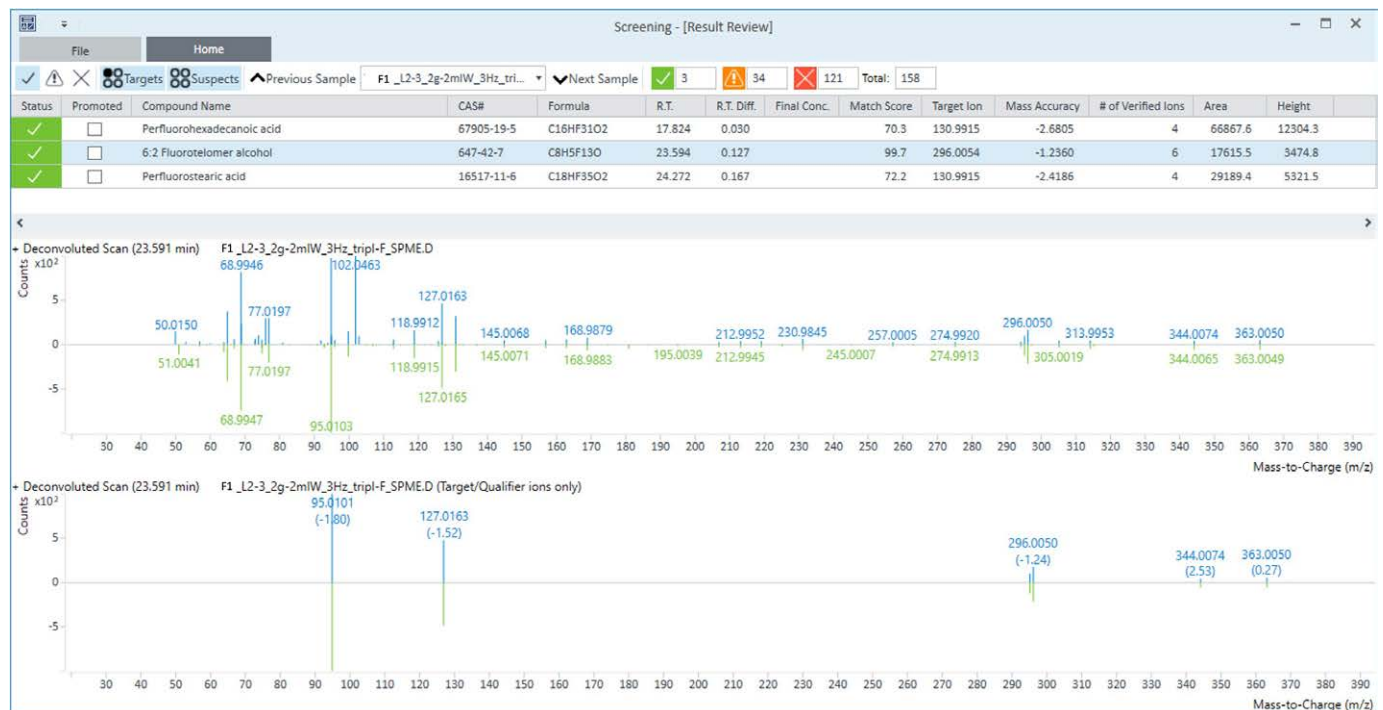
6:2 Fluorotelomer alcohol (6:2 FTOH)



Perfluoroheptanoic acid (PFHpA)



GC/Q-TOF 스크리너와 PFAS PCDL을 사용하여 토양에서 검출한 플루오로텔로머 알코올



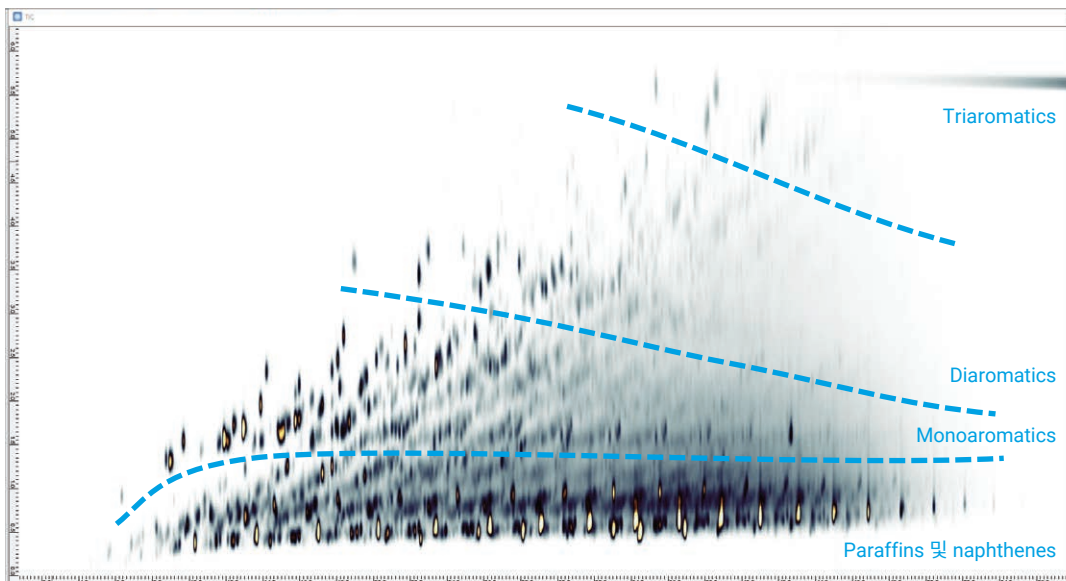
생산성을 강화하고 제품 품질 보장

복잡한 시료의 성분 식별은 쉬운 일이 아닙니다. 여기에는 지식, 정보, 그리고 Agilent 7250 GC/Q-TOF 시스템의 강력한 분석 성능이 필요합니다. 이러한 성능에는 고분해능 accurate mass 측정, 저에너지 전자 및 화학 이온화 옵션, 포괄적인 GC x GC 호환성을 위한 빠른 스펙트럼 수집, 고감도 MS/MS 측정 등이 포함됩니다.

- 최대 50Hz의 빠른 수집 속도와 속도에 무관한 분해능 유지로 좁은 크로마토그래피 피크나 매우 좁은 2D GC 피크를 특성화할 수 있습니다.
- 스펙트럼 단순화를 통해 분자 이온을 추론할 수 있으므로 소프트 GC/MS 이온화 옵션을 활용할 수 있습니다.
- 고분해능 accurate mass 생성 이온 스펙트럼과 결합한 강력한 Molecular Structure Correlator 소프트웨어로 화학적 구조에 대한 정보를 얻을 수 있습니다.

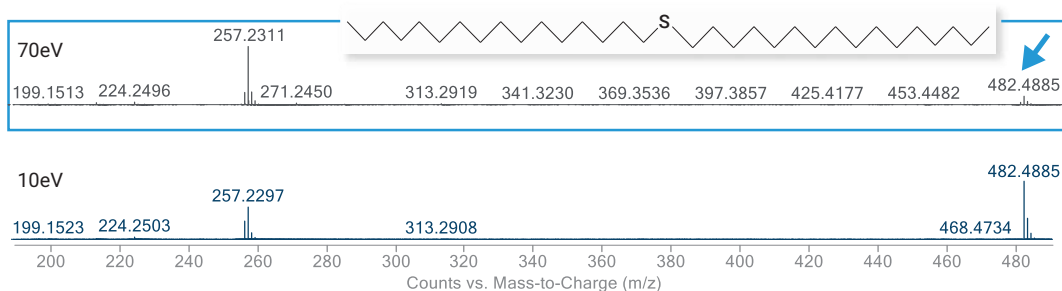


Paraffins 및 naphthenes



이 그림은 애질런트 역방향 흐름 모듈레이터가 어떻게 신뢰할 수 있는 결과를 제공하는지 보여줍니다. 포괄적인 2D GC 그래프는 디젤 성분의 정확한 분리를 보여줍니다.

Hexadecyl sulfide: C₃₂H₆₆S



혁신적인 저에너지 전자 이온화 이온화원을 통해 스펙트럼 복잡성을 줄이고 분석 감도를 크게 유지하는 동시에 분자 이온 쪽으로 스펙트럼을 기울일 수 있습니다.

시스템 생물학에 대한 연구 촉진

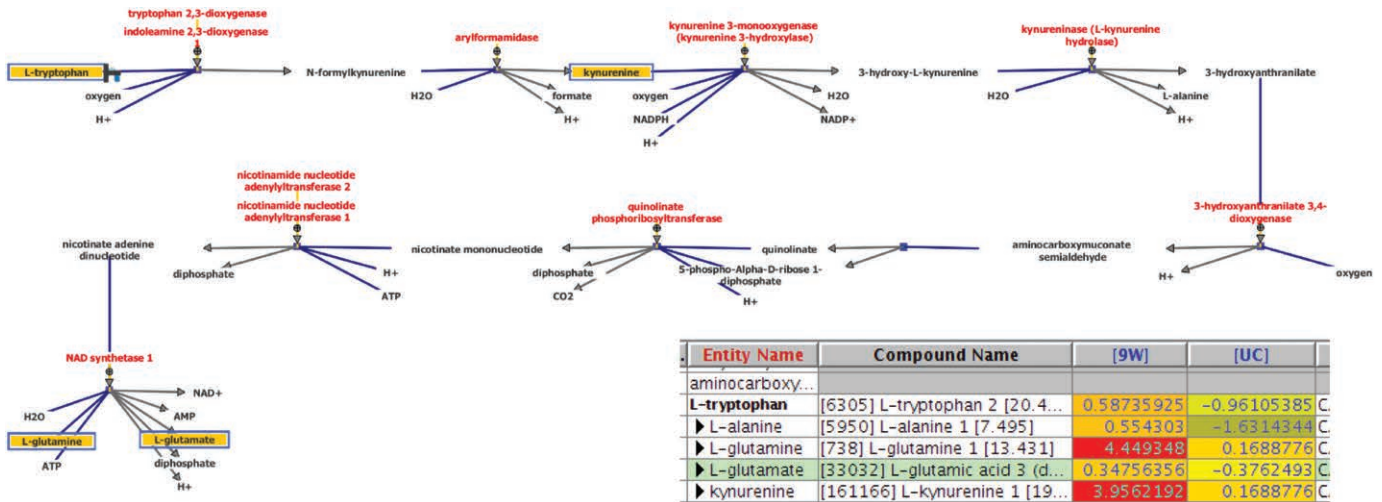
인체 건강, 진단 및 질병 이해에 대한 새로운 통찰력이 매일과 같이 쏟아집니다. 이러한 진보를 이끄는 연구에는 힘겨운 실험 설계와 실행이 필요합니다. Agilent 7250 GC/Q-TOF 시스템과 소프트웨어가 제공하는 고분해능 데이터로 연구를 한 단계 더 진보시키세요. 이 두 가지를 함께 사용하면 생물학적 매트릭스에서 더 많은 화합물을 식별하고 숨겨진 추세를 밝혀낼 수 있습니다.



경로 중심의 대사체학 워크플로

Agilent 7250 GC/Q-TOF 시스템의 전체 스펙트럼 분석 감도 및 질량 정확도 뿐만 아니라, 미지 대사체의 구조 해석을 위한 MS/MS 기능으로 복잡한 대사체학 연구에 큰 이점을 얻게 되었습니다. 시스템의 확장된 측정 범위는 세포에 존재하는 대사체의 정확한 동시 정량을 가능하게 합니다.

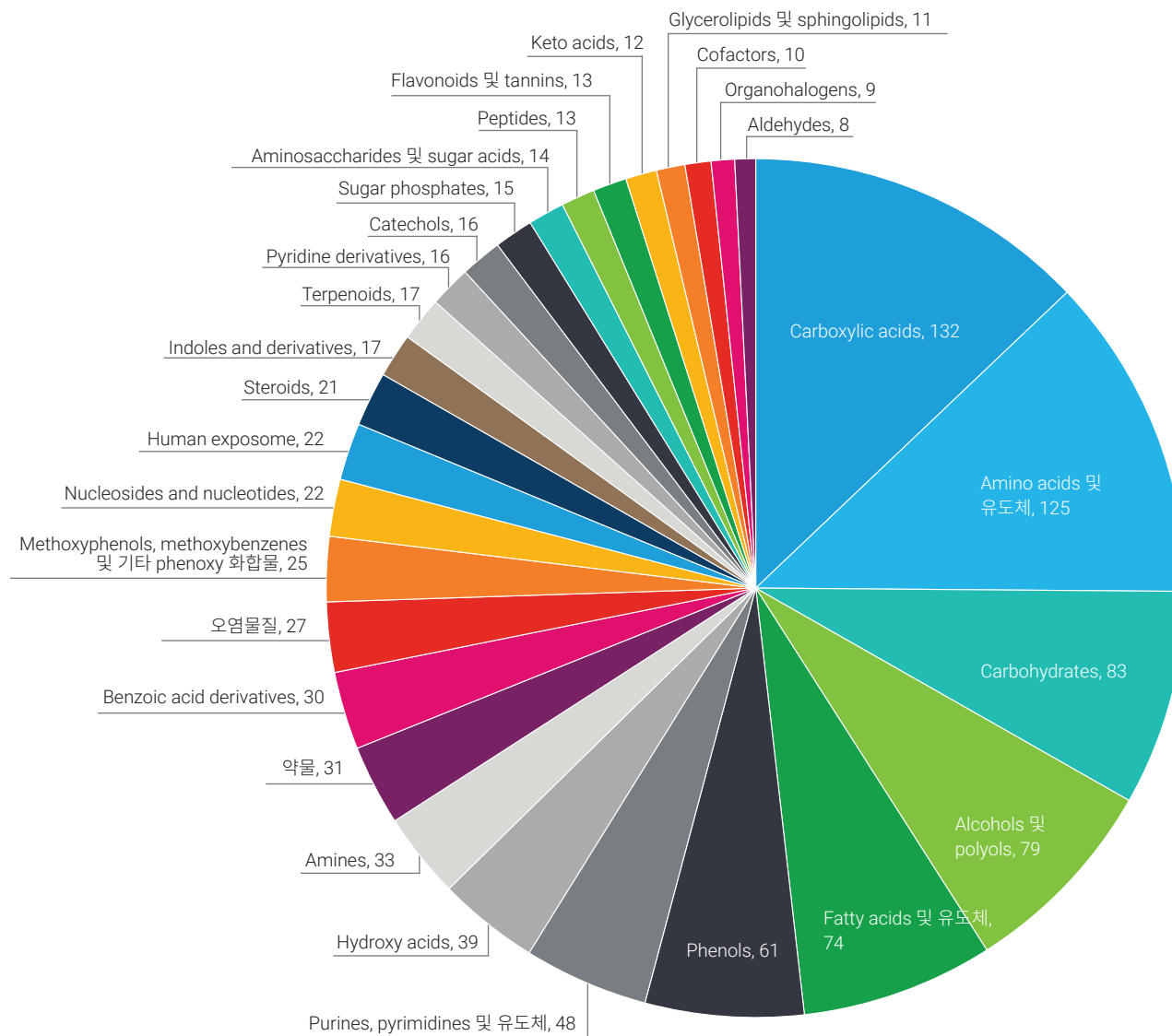
Mass Profiler Professional의 Pathway Architect는 질량 스펙트럼 데이터에 생물학적 정보를 부여합니다. Pathway Architect는 단일 또는 다중 “omics” 시험 결과를 제공하며, 이는 일반적인 생물학적 경로에 매핑할 수 있습니다. 또한 경로 정보를 동시에 분석, 시각화 및 해석할 수 있습니다. 이 경로 중심의 워크플로는 발견과 통찰력에서 검증까지의 경로 이동을 가속화하며, 다음과 같은 일련의 실험을 효율적으로 계획하고 실행할 수 있게 해줍니다.



Pathway Architect 결과의 예: NAD 생합성

Accurate mass 대사체학 스펙트럼 라이브러리 및 데이터베이스로 대사산물 식별 간소화

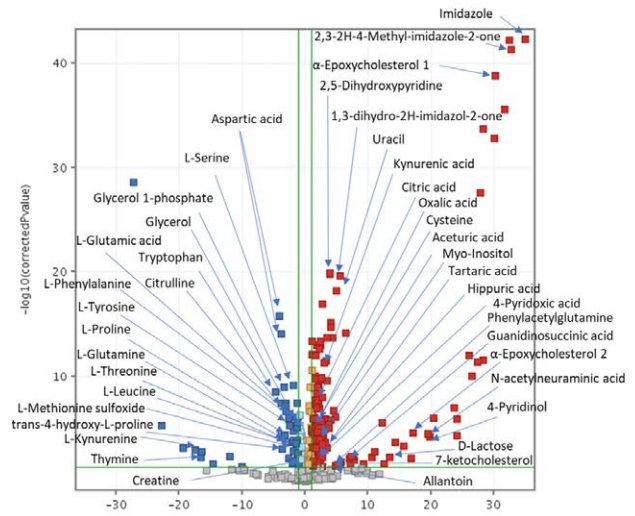
새로운 Agilent GC/Q-TOF 대사체학 개인용 화합물 데이터베이스 및 라이브러리(PCDL)는 900개 이상의 화합물을 포함하는 고분해능 스펙트럼 라이브러리입니다. 이는 광범위한 종류의 대사산물을 나타냅니다.



원하는 답을 찾으십시오

Mass Profiler Professional 소프트웨어는 복잡한 데이터를 명확한 통찰력으로 바꿔줍니다

시료 그룹 간의 차등 분석을 통해 비교 연구를 수행할 때 통계적으로 유의미한 부분에 초점을 맞출 수 있습니다. 여기서 우리는 건강한 사람과 심부전 환자 간의 대사체 차이를 확인했습니다. 결과는 시각적으로 간단히 알 수 있게 폴드 변화 분석을 통해 volcano 플롯에 제시됩니다.



"고분해능 Q-TOF MS와 결합한 Mass Profiler 소프트웨어로 관심 농약과 함께 용리하는 다양한 매트릭스 성분을 연구할 수 있게 되었습니다."

– Carmen Ferrer 박사

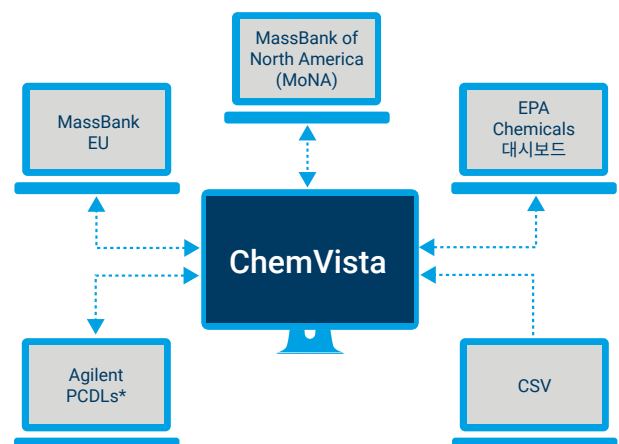
알메리아 대학교 분석학과

Agilent ChemVista 소프트웨어는 광범위하고 포괄적인 통합 라이브러리를 제공합니다

Agilent ChemVista는 LC/Q-TOF 및 GC/Q-TOF 질량 분석법으로 생성된 스펙트럼 라이브러리를 관리하는 독립형 소프트웨어 응용입니다. 여러 이온화원의 화합물 세부 정보, 머무름 시간 및 스펙트럼 정보를 통합하여 다음과 같은 작업을 수행할 수 있습니다.

- 여러 공공 데이터베이스와 선별된 라이브러리에 액세스합니다.
- 스펙트럼을 구성, 관리, 편집 또는 생성합니다.
- MassHunter 데이터 분석 응용과 그 밖의 다른 응용에서 식별 워크플로를 용이하게 합니다.
- 화합물을 더욱 확실하게 식별합니다.

또한 ChemVista에는 광범위한 라이브러리 및 데이터베이스 콘텐츠가 포함되어 있습니다.



* 선별된 개인용 화합물 데이터베이스 및 라이브러리



CrossLab은 실험실 효율 향상, 운용 최적화, 기기 가동 시간 증가, 사용자 기술 개발 등을 위한 서비스, 소모품 및 실험실 전체 자원 관리를 통합하는 애질런트의 기능입니다. 업계 최고의 애질런트 서비스는 최고 성능의 기기 작동을 유지하며, 기술 업데이트, 응용 컨설팅, 수리, 예방점검 서비스, 규제 준수 검증 및 교육을 포함합니다.

Agilent CrossLab은 애질런트 및 타사 기기를 지원하며 이전(relocation) 서비스를 포함한 워크플로 활성화, 실험실 분석, 규제 준수, 재고 관리 및 자산 관리에 대한 자문 지원을 제공합니다.

[Agilent CrossLab에 대해 자세히 알아보기](#) 탁월한 성과로 이어진 통찰력의 사례를 확인하세요.

자세한 정보:

www.agilent.com/chem/gcms-qtof

국가별 애질런트 고객 센터 찾기:

www.agilent.com/chem/contactus

미국 및 캐나다

1-800-227-9770

agilent_inquiries@agilent.com

유럽

info_agilent@agilent.com

아시아 태평양

inquiry_lsca@agilent.com

연구용으로만 사용하십시오. 진단 용도로는 사용하지할 수 없습니다.

이 정보는 사전 고지 없이 변경될 수 있습니다.

RA45442.6111111

© Agilent Technologies, Inc. 2024

2024년 6월 5일, 한국에서 발행

5991-8109KO

한국애질런트테크놀로지스㈜
대한민국 서울특별시 서초구 강남대로 369,
A+ 에셋타워 9층, 06621
전화 : 82-80-004-5090 (고객지원센터)
팩스 : 82-2-3452-2451
이메일 : korea-inquiry_lsca@agilent.com

